



IV Jornadas Andaluzas de Bioinformática

JABI 2026

Programa detallado

Organiza



Patrocina



Colabora



LUNES 27 DE ABRIL (TARDE)



- 14:00-15:00 Registro y entrega de acreditaciones u documentación
- 15:00-15:20 **Inauguración de las JABI 2026**
María José Polo Gómez, Vicerrectora de Política Científica (Universidad de Córdoba)
José Vicente Die Ramón, Comité Organizador
- 15:20-17:00 **Sesión 1: Bioinformática vegetal**
Moderadora: M. Gonzalo Claros Díaz (IHSM, CSIC-UMA)
- 15:20-15:35 **Adrián Pérez Rial**
S1-O1: Arquitectura genómica y variación estructural asociadas a la tolerancia a la sequía en Castanea sativa.
- 15:35-15:50 **Rafael Postigo**
S1-O2: Aplicación Shiny para integración de datos genómicos de familias génicas en múltiples especies
- 15:50-16:05 **Alberto Gila Navarro**
S1-O3: A pan-transcriptomic approach of Cannabis sativa trichomes finds chemotype wide and variety specific differences in core trichome processes and secondary metabolic pathways
- 16:05-16:20 **Enrique Alanís Domínguez**
S1-O4: Computational analysis of protein-protein interactions in biocondensates
- 16:20-16:35 **Andrea Lucena de Opazo**
S1-O5: Bioprospecting microbial diversity across avocado (Persea americana) crop compartments reveals microorganisms with lignocellulose-degrading potential.
- 16:35-16:50 **María José Estrella González**
S1-O6: Efecto simbiótico y prebiótico de extractos de compost sobre la microbiota rizosférica de Cucumis sativus
- 16:50-17:05 **M. Gonzalo Claros Díaz**
S1-O7: The pollen of different olive cultivars revealed functional variations and allowed new allergens to be predicted
- 17:05-17:30 **Café y colocación de paneles**
- 17:30-18:30 **Charla plenaria:**
Aureliano Bombarely - IBMCP (CSIC-UPV)
Insights about Plant Evolution and Domestication by applying Genomics, Bioinformatics and AI
- 20:30 **Evento Social: Recepción en Caballerizas Reales (Ayuntamiento de Córdoba)**

MARTES 28 DE ABRIL (MAÑANA)

- 09:00-10:30 **Sesión 2: Bioinformática clínica**
Modera: Eduardo Andrés León (IPBLN)
- 09:00-09:15 **Ignacio Garach Vélez**
S2-O1: Impacto de la normalización y selección de características en modelos de clasificación de enfermedades basados en microbioma.
- 09:15-09:30 **Ana Brescia Zapata**
S2-O2: Pathway-Based Molecular Stratification Identifies Patient Subgroups with Differential In-silico Response Rates to Biologic Therapies in Systemic Lupus Erythematosus
- 09:30-09:45 **Esther Nieto Molina**
S2-O3: Análisis de STRs mediante WGS en la cohorte IMPaCT-Genómica: Rendimiento y hallazgos diagnóstico
- 09:45-10:00 **Elena Povedano Espejo**
S2-O4: Epigenetic echoes of COVID-19: longitudinal DNA methylation signatures up to 24 months post-infection.
- 10:00-10:15 **Andrea Aguado Marín**
S2-O5: Más allá del huésped: efectos causales de la variabilidad genética de SARS-CoV-2 sobre el pronóstico clínico
- 10:15-10:30 **Alberto Ríos Muñoz**
S2-O6: Modelado predictivo de respuesta a inmunoterapia en CPNM a partir del perfil genómico germinal.
- 10:30-10:45 **Kristina Lacasta López**
S2-O7: Data-Driven Disentanglement of Confounding Factors in Sjögren's Syndrome
- 10:45-11:45 **Charla Plenaria:**
Fátima Sánchez Cabo (Centro Nacional de Investigaciones Cardiovasculares)
De modelos de lenguaje a gemelos digitales: Cómo la IA está cambiando la investigación cardiovascular
- 11:45-12:15 **Café y visita a los paneles**
- 12:15-13:25 **Sesión 3: Plataformas, diseminación y servicios para la investigación**
Modera: Laura Carmen Terrón Camero (IPBLN)
- 12:15-12:35 **Rocío Bautista Moreno**
S3-O1: Picasso a la Vanguardia de la Bioinformática
- 12:35-12:45 **Elena María Espinosa García**
S3-O2: Aceleración del alineamiento de secuencias mediante el algoritmo de Myers en arquitecturas heterogéneas

MARTES 28 DE ABRIL (TARDE)

- 12:45-12:55 **María Victoria Aguilar Pontes**
S3-O3: KEGGAPI.jl
- 12:55-13:05 **Daniel Jesús García García**
S3-O4: Standardized and Scalable HPC Workflows for Spatial Transcriptomics: Mouse Brain WT/KO Case Example
- 13:05-13:15 **María Cintas Galán**
S3-O5: Análisis de abundancia de ARNt a nivel genómico: Aplicaciones en cáncer y ciclo celular
- 13:15-13:25 **Fco Javier Borrallo Vázquez**
S3-O6: Estudio de la coevolución en sistemas hospedador - parásito, aproximación desde una perspectiva computacional
- 13:25-14:30 **Mesa Redonda. Formación en Bioinformática y oportunidades laborales**
Moderada por Guillermo Paz López (RSG-Spain – Sociedad Internacional en Biología Computacional)
- 14:30 Foto de Familia
- 14:45-15:45 Almuerzo
- 15:45-16:30 Visita a los paneles
- 16:30-18:30 **Sesión 4: Bioinformática microbiana**
Moderada: Alfonso Olaya Abril (Universidad de Córdoba)
- 16:30-16:45 **Ana Lasa**
S4-O1: De la rizosfera del roble melojo (Quercus pyrenaica Willd.) al genoma de bacterias potencialmente promotoras del crecimiento vegetal
- 16:45-17:00 **Daniel Pérez Bartivas**
S4-O2: Genómica comparativa y filogenómica de bacterias del xilema del olivo para diseñar comunidades sintéticas para el control de Xylella fastidiosa
- 17:00-17:15 **Ana Rodríguez López**
S4-O3: Breaking clonality: stage-specific transposase activation as mechanism of genetic variation in a fungal plant pathogen
- 17:15-17:30 **Antonio Romero Guillén**
S4-O4: Integrative TraDIS-based modeling defines genome-wide fitness landscapes in Salmonella Typhimurium across porcine host niches
- 17:30-17:45 **María Lara Jiménez**
S4-O5: Un esquema cgMLST público para la detección de brotes de Legionella pneumophila

MARTES 28 DE ABRIL (TARDE)



- 17:45-18:00 **Antonio Moreno Rodríguez**
S4-O6: The Evolutionary Landscape: integrating antiviral immunity, prophages and regulatory modules in bacteria
- 18:00-18:15 **Álvaro Román Gómez**
S4-O7: Análisis metagenómico de aguas residuales en EDAR andaluzas: una aproximación integrada para la vigilancia de patógenos y resistencia antimicrobiana
- 18:15-18:30 **Julio Cesar Castillo Hernandez**
S4-O8: Consorcios microbianos inteligentes: un enfoque bioinformático para mejorar la biorremediación de aguas impactadas por minería
- 18:30-19:30 **Charla plenaria :**
María de Toro Hernando (Fundación Rioja Salud)
De genomas a microbiomas: retos abiertos en bioinformática microbiana
- 20:30-11:00 **Evento Social - Bodegas Campo**

MIÉRCOLES 29 DE ABRIL (MAÑANA)

- 09:00-10:00 **Sesión 5: Análisis e integración de datos -ómicos**
Modera: Pedro Carmona Sáez (Universidad de Granada)
- 09:00-09:10 **María Ángeles Vargas-Pérez**
S5-O1: Clones que no son tan clones: Caracterización de variantes mitocondriales en caballos de polo clonados
- 09:10-09:20 **Daniel Ruiz Palacios**
S5-O2: m6A methylation as a potential master regulator of splicing in NENs
- 09:20-09:30 **Laura Gutiérrez Camacho**
S5-O3: Análisis integrativo del splicing alternativo en tumores neuroendocrinos pulmonares
- 09:30-09:40 **Marina Vargas Fernández**
S5-O4: Longitudinal network analysis reveals relationships between molecular features and clinical outcomes in Parkinson's disease patients
- 09:40-09:50 **Elena Carnero Montoro**
S5-O5: Sex modifies the relationship between X-linked DNA methylation with lupus and genetics

MIÉRCOLES 29 DE ABRIL (MAÑANA)

- 09:50-10:00 **Marina Mora-Ortiz**
S5-O6: Impact of Early-Onset Obesity on the Transcriptomic Profile of Kiss1 Neurons: Age-Dependent Alterations in Synaptic Organization and Neuroendocrine Pathways in a Mouse Model
- 10:00-10:10 **José Luis López Carmona**
S5-O7: Biofilm Metagenomic Analysis for Listeria monocytogenes in RTE Product.
- 10:10-11:10 **Charla plenaria:**
Martín Garrido Rodríguez (European Molecular Biology Laboratory)
From Descriptive Multi-omics to Predictive Systems Biology
- 11:10-11:45 **Café y visita a los paneles**
- 11:45-13:15 **Sesión 6: Inteligencia artificial y Ciencia de Datos**
Modera: Francisco Manuel Ortuño Guzmán (Universidad de Granada)
- 11:45-12:00 **Alicia Paredes-Calderón**
S6-O1: Identificación de fenotipos en insuficiencia cardiaca mediante aprendizaje automático y metabólica por espectroscopía de RMN
- 12:00-12:15 **Marco Apolo Pulpillo Berrocal**
S6-O2: Gene Expression Profiling from Breast Cancer Whole Slide Images: A Deep Learning Approach
- 12:15-12:30 **Jorge Maese-Calvo**
S6-O3: Predicción del reingreso hospitalario a 30 días en pacientes con insuficiencia cardíaca mediante machine learning
- 12:30-12:45 **Nuria Luque Reigal**
S6-O4: Priorización equitativa del riesgo clínico en telemedicina geriátrica mediante inteligencia artificial bajo restricciones asistenciales
- 12:45-13:00 **Victor Manuel de la Oliva Roque**
S6-O5: Desarrollo y validación de un predictor temprano de cáncer de pulmón basado en datos del mundo real: comparación con el proyecto piloto "Cassandra" y análisis de interpretabilidad e incertidumbre
- 13:00-13:15 **Isidoro Gutiérrez Álvarez**
S6-O6: Desarrollo de un predictor temprano del Carcinoma Hepatocelular: Hacia una Detección Temprana en la Población de Andalucía



MIÉRCOLES 29 DE ABRIL (MAÑANA)

- 13:15-14:15 Charla plenaria:**
Francisco Javier Veredas Navarro (Grupo de Inteligencia Computacional en Biomedicina / Universidad de Málaga)
Modelos de Lenguaje a Gran Escala (LLM) en Bioinformática: Descifrando el Código de la Vida mediante la Arquitectura Transformer
- 14:15-15:00 Clausura de las JABI 2026**
Balance de participación
Entrega de premios: María del Mar Malagón Poyato (Subdirectora Científica del IMIBIC)
Presentación JABI 2027